

Visualització texts

Usuari: mar - Data: 05/08/2010 - Hora: 12:50:11

Document

LA OPINION DE MURCIA

05/08/2010

Identifican 59 nuevas variantes genéticas que ayudarán a combatir los infartos Este descubrimiento proporciona la base para la prevención de las patologías cardiovasculares EFE BARCELONA Un estudio internacional ha identificado 95 variantes genéticas, 59 de ellas por primera vez, relacionadas con los triglicéridos y los niveles de colesterol HDL y colesterol LDL o «colesterol malo», lo que facilitará crear nuevas dianas terapéuticas y reducir riesgos de infarto agudo de miocardio. El trabajo, en el que ha participado el Instituto de Investigación Hospital del Mar, permite conocer un poco más las bases genéticas que determinan el nivel de lípidos en la población y crear nuevas terapias para combatir los problemas de infarto, una patología que afecta a unas 80.000 personas al año en España y es la primera causa de mortalidad en los países desarrollados. Esta investigación internacional, que ha contado con la participación de investigadores de 117 instituciones, realizó un estudio de asociación de genotipado completo a 100.184 personas de origen europeo y otras 35.000 personas de origen no europeo, según informó ayer el Instituto de Investigación Hospital del Mar (IMIM). Roberto Elosúa, coordinador del grupo de investigación en epidemiología y genética cardiovascular del IMIM, explicó que este estudio demuestra la necesidad de la colaboración internacional para profundizar en las bases genéticas del estudio de enfermedades complejas. De cada uno de los participantes se estudiaron 2,5 millones de variantes genéticas y los niveles de colesterol LDL, colesterol HDL y triglicéridos en sangre. Posteriormente, se analizó la asociación entre las variantes genéticas estudiadas y los citados parámetros lipídicos, y se logró identificar 95 variantes asociadas con ellos, en 59 casos, por primera vez (hasta ahora sólo se conocían 39). Este descubrimiento proporciona la base biológica necesaria para desarrollar una comprensión más amplia de cómo funciona el metabolismo lipoprotéico e identifican nuevas oportunidades para la prevención de las patologías cardiovasculares. Según el investigador del IMIM, estas variantes genéticas identificadas explican entre el 10 y el 12% de los diferentes parámetros lipídicos evaluados.