

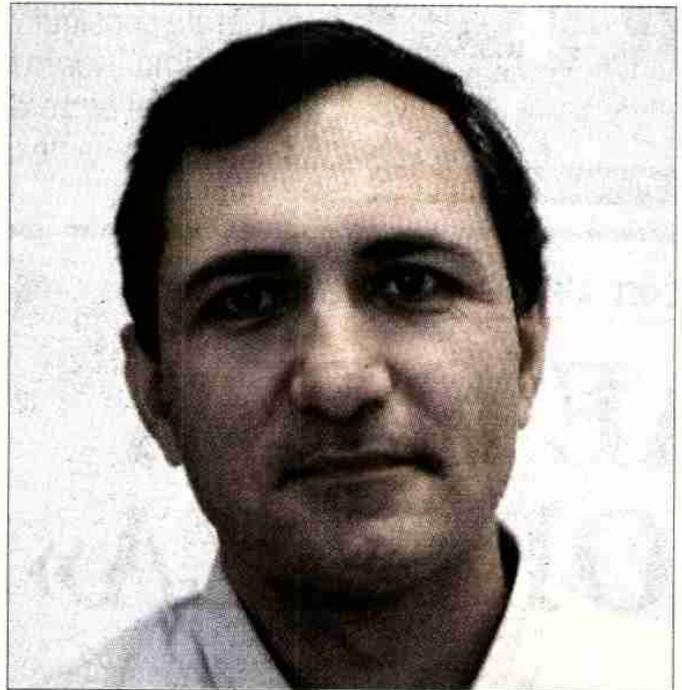


Roberto Elosua

■ Coordinador del grupo de Investigación en Epidemiología y Genética Cardiovascular del Instituto Municipal de Investigación Médica de Barcelona

Un estudio abre nuevas vías en el tratamiento de la hipertensión

SUBE Un macroestudio elaborado por un equipo formado por 164 investigadores de 93 centros de EE UU y de Europa, entre ellos el Instituto Municipal de Investigación Médica de Barcelona (IMIM), ha permitido identificar ocho variantes de genes asociadas a la presión arterial y a la hipertensión, una patología que afecta a un 35% de la población adulta española. Según Roberto Elosua, coordinador del grupo de Investigación del IMIM, esto abriría «la posibilidad de identificar dianas terapéuticas para fármacos que contribuirán a controlar la hipertensión, así como a crear tratamientos especializados».



SALUD

Descubiertos los ocho genes «culpables» de la hipertensión

El estudio, con participación española, promoverá nuevas terapias

M. Poveda

MADRID- Investigadores de todo el mundo han localizado las ocho variantes genéticas que hacen que la tensión suba. El hallazgo que publica hoy la edición electrónica de «Nature Genetics» aclara parte de las causas de la hipertensión y apunta nuevas dianas para tratamientos que controlen este factor de riesgo de infarto. Más de 150 investigadores de 93 centros, entre ellos los españoles Jaume Marrugat, Gavin Lucas, Isaac Subirana y Roberto Elosua, del Instituto Municipal de Investigación Médica (IMIM), de Barcelona, firman dos estudios en los que se han analizado los datos genéticos de 130.000 personas.

Aunque se habían apuntado algunas causas de la hipertensión –tabaquismo, consumo excesivo de sal u obesidad–, en el 95 por ciento de los casos se desconocía



la explicación. Pero este macroproyecto ha logrado concretar qué zonas del genoma son las responsables de la presión sanguínea –tanto de la sistólica como

de la diastólica– y, por tanto, aumentan el riesgo de sufrir hipertensión. Algunas conclusiones ni se imaginaban: «De las ocho variantes, muy pocas estaban entre las quinielas de posibles genes sospechosos», confirma Daniel Lew, coordinador de uno de los estudios en los Institutos de Salud de EE UU.

El hallazgo «abrirá la posibilidad de identificar dianas terapéuticas para fármacos que contribuyan a controlar la hipertensión, y ya veremos si puede ayudar a crear tratamientos personalizados», dice el investigador Roberto Elosua, informa Efe.

Según el estudio, las personas que no contaban con ninguna de estas variantes de riesgo tenían una tensión varios milímetros de mercurio menor que los que portaban varias, lo que a efectos prácticos supone un mayor riesgo de enfermedad cardiovascular.